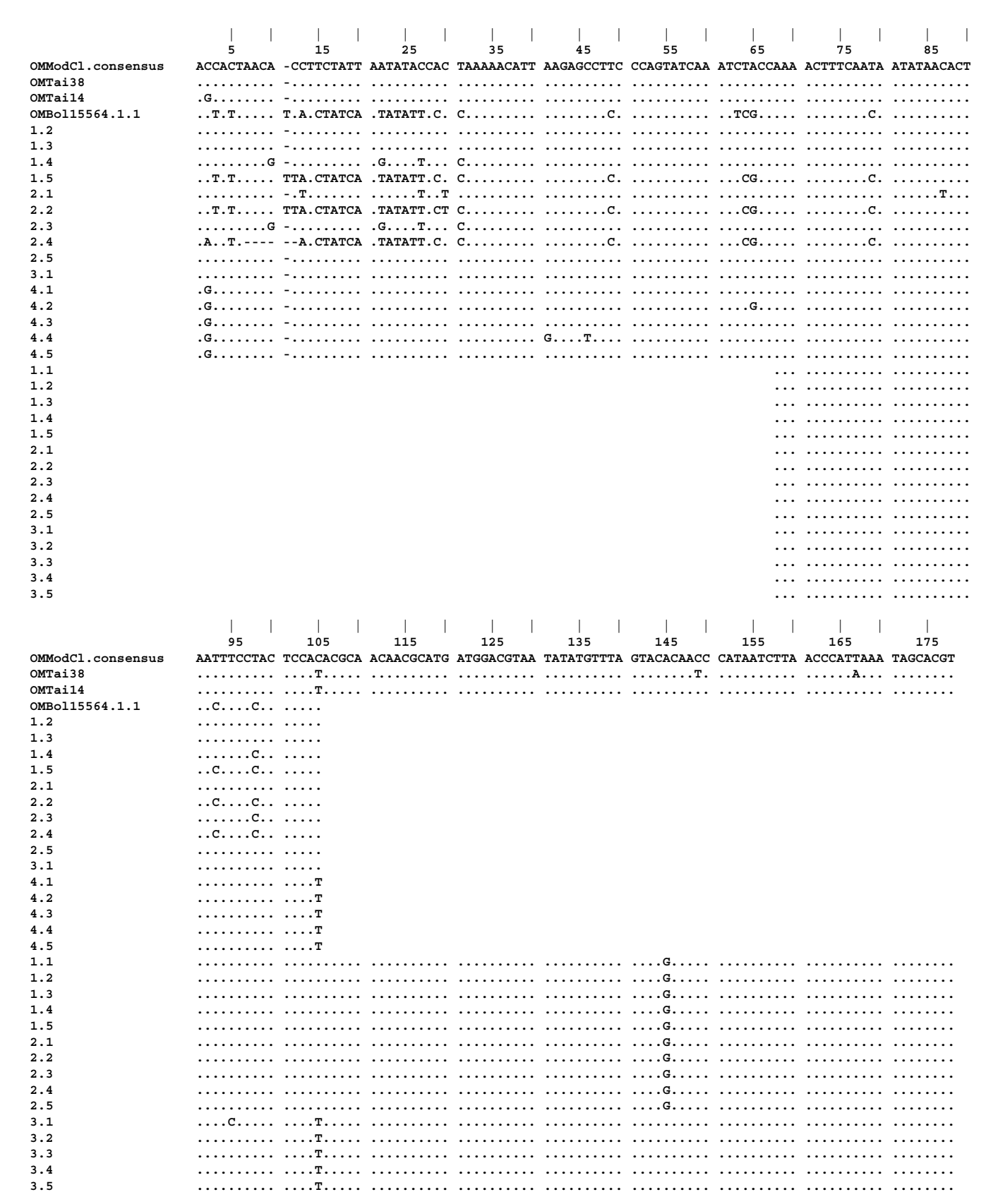
5 15 25 35 45 55 65 75 85
OMModCl.consensus ACCACTAACA -CCTTCTATT AATATACCAC TAAAAACATT AAGAGCCTTC CCAGTATCAA ATCTACCAAA ACTTTCAATA ATATAACACT
OMTai38 ..... -..... ....
OMTai14 .G..... -..... ....
OMBol15564.1.1 ..T.T.... T.A.CTATCA .TATATT.C. C..... .....C. ....TCG..... .....C. .....
1.2 ..... -..... ....
1.3 ..... -..... ....
1.4 .....G -..... .G...T... C..... ....
1.5 ..T.T.... TTA.CTATCA .TATATT.C. C..... .....C. ....CG..... .....C. .....
2.1 ..... -.T..... .....T..T ....T...
2.2 ..T.T.... TTA.CTATCA .TATATT.CT C..... .....C. ....CG..... .....C. .....
2.3 .....G -..... .G....T... C..... ....
2.4 .A..T.---- --A.CTATCA .TATATT.C. C..... .....C. ....CG..... .....C. .....
2.5 ..... -..... ....
3.1 ..... -..... ....
4.1 .G..... -..... ....
4.2 .G..... -..... ....G..... ....
4.3 .G..... -..... ....
4.4 .G..... -..... .... G....T.... ....
4.5 .G..... -..... ....
1.1 ... .
1.2 ... .
1.3 ... .
1.4 ... .
1.5 ... .
2.1 ... .
2.2 ... .
2.3 ... .
2.4 ... .
2.5 ... .
3.1 ... .
3.2 ... .
3.3 ... .
3.4 ... .
3.5 ... .
95 105 115 125 135 145 155 165 175
OMModCl.consensus AATTTCCTAC TCCACACGCA ACAACGCATG ATGGACGTAA TATATGTTTA GTACACAACC CATAATCTTA ACCCATTAAA TAGCACGT
OMTai38 ....T..... ....T. ....A... .....
OMTai14 ....T..... ....
OMBol15564.1.1 ..C....C.. .....
1.2 ....
1.3 ....
1.4 ....C.. .....
1.5 ..C....C.. .....
2.1 ....
2.2 ..C....C.. .....
2.3 ....C.. .....
2.4 ..C....C.. .....
2.5 ....
3.1 ....
4.1 ....T
4.2 ....T
4.3 ....T
4.4 ....T
4.5 ....T
1.1 ....G..... ....
1.2 ....G..... ....
1.3 ....G..... ....
1.4 ....G..... ....
1.5 ....G..... ....
2.1 ....G..... ....
2.2 ....G..... ....
2.3 ....G..... ....
2.4 ....G..... ....
2.5 ....G..... ....
3.1 ....C..... ....T..... ....
3.2 ....T..... ....
3.3 ....T..... ....
3.4 ....T..... ....
3.5 ....T..... ....