```
                    ┌──────────────────────────┐
                    │  FANTOM2 60,770 clones   │
                    └──────────────────────────┘
                              │
              ┌───────────────┼───────────────┐
              │       ┌──────────────────┐     │              ┌──────────────────────────────────────────┐
              │       │ All Mouse RNA, EST│     │              │ GenBank Mouse RNA non-EST + RefSeq mouse mRNA│
              │       └──────────────────┘     │              │             (44,106 seqs.)                 │
              │        ┌──────┴──────┐         │              └──────────────────────────────────────────┘
              ▼        ▼             ▼          ▼                              │
      ┌──────────────┐ ┌──────────────┐ ┌──────────────┐                      ▼
      │  ClusTrans   │ │NCBI clustering│ │TIGR clustering│           ┌──────────────────────────────┐
      │(35,957       │ │(37,780        │ │(45,538        │           │   LocusLink Blessed Set        │
      │ clusters)    │ │ clusters)     │ │ clusters)     │           │ + MGI set (no assoc. with LL)  │
      └──────────────┘ └──────────────┘ └──────────────┘           │ + no assoc. with LL nor MGI    │
              │              │                │                       │        (28,330 seqs.)          │
              └──────────────┼────────────────┘                       └──────────────────────────────┘
                             ▼                                                  │
              ┌──────────────────────────────────────┐                        │
              │           Human Curation              │                        │
              │(35,637 clusters / representative seqs.)│                       │
              └──────────────────────────────────────┘                        │
                             └────────────────┬───────────────────────────────┘
                                              ▼
                                  ┌──────────────────────┐
                                  │   63,967 sequences   │
                                  └──────────────────────┘
                                              ▼
                        ┌──────────────────────────────────────────┐
                        │ Redundancy reduction with curated databases│
                        │           (LocusLink & MGI)                │
                        └──────────────────────────────────────────┘
                                              ▼
                    ┌──────────────────────────────────────────────────┐
                    │ Redundancy reduction with curated FANTOM2-MGI relationships│
                    └──────────────────────────────────────────────────┘
                                              ▼
                              ┌──────────────────────────┐
                              │  cDNA clustering (ClusTrans)│
                              └──────────────────────────┘
                                              ▼
                                  ┌──────────────────────┐
                                  │      49,062 TUs      │
                                  └──────────────────────┘
                                              ▼
                                  ┌──────────────────────┐
                                  │     Human curation   │
                                  └──────────────────────┘
                                              ▼
                        ┌──────────────────────────────────────────┐
                        │ Split & merge TUs with mouse genome coordinations│
                        └──────────────────────────────────────────┘
                                              ▼
                                  ┌──────────────────────┐
                                  │      36,089 TUs      │
                                  └──────────────────────┘
                                              ▼
                              ┌──────────────────────────┐
                              │ Split opposite strand orientation│
                              └──────────────────────────┘
                                              ▼
                                  ┌──────────────────────┐
                                  │      37,086 TUs      │
                                  └──────────────────────┘
```

Supplementary Information 9